

To: (10)(2e) <(10)(2e)@rivm.nl>; (10)(2e) <(10)(2e)@rivm.nl>
Cc: (10)(2e) <(10)(2e)@rivm.nl>
From: (10)(2e)
Sent: Tue 4/7/2020 2:46:35 PM
Subject: RE: in labinfect voor vandaag: opm over mogelijkheid tot sequencen. Ook RIVM toevoegen...toch?
Received: Tue 4/7/2020 2:46:35 PM

Kan, maar dan moeten we denk ik ook amplicon Nanopore techniek binnen halen en snel schakelen met EMC om steeds een overall beeld te hebben, naast op kleine schaal zorginstelling in kaart brengen. Uitgaande van niet al te veel monsters per instelling + medewerkers die een hoge virale load hebben geschikt voor Illumina. Maar dat kan (10)(2e) beter zeggen.

Mvg

(10)(2e)

From: (10)(2e) <(10)(2e)@rivm.nl>
Sent: dinsdag 7 april 2020 16:12
To: (10)(2e) <(10)(2e)@rivm.nl>; (10)(2e) <(10)(2e)@rivm.nl>
Cc: (10)(2e) <(10)(2e)@rivm.nl>
Subject: in labinfect voor vandaag: opm over mogelijkheid tot sequencen. Ook RIVM toevoegen...toch?

Mogelijkheid tot sequencen SARS-CoV-2

Door fylogenetische analyse is het mogelijk om meer inzicht te krijgen in de import en verspreiding van SARS-CoV-2. Om lokale uitbraken en mogelijke verspreiding van SARS-CoV-2 in zorginstellingen beter in kaart te brengen kan het zinvol zijn om SARS-CoV-2 -positieve monsters te laten sequencen en analyseren. GGD-en kunnen voor overleg hierover contact opnemen met de afdeling klinische virologie van het Erasmus MC.

(10)(2e), Ph.D.

(10)(2e) Virology,
 Netherlands Centre for Infectious Disease Control,
 National Institute for Public Health and the Environment, Bilthoven

(10)(2e) Public Health Virology,
 Department of Viroscience,
 Erasmus MC, Rotterdam

Contact:
 P.O. Box 012
 3720BA Bilthoven, the Netherlands

Tel: (10)(2e)
 e-mail: (10)(2e)@rivm.nl